Computer Science and Application 计算机科学与应用, 2021, 11(1), 143-155 Published Online January 2021 in Hans. <u>http://www.hanspub.org/journal/csa</u> https://doi.org/10.12677/csa.2021.111016

肺结节图像的计算机自动检测研究进展

陈 辰¹,苗 军^{1*},齐洪钢²,刘 艳²,郭志军³,刘海涛³

¹北京信息科技大学,网络文化与数字传播北京市重点实验室,北京 ²中国科学院大学,计算机科学与技术学院,北京 ³华北石油管理局总医院,河北 任丘

Email: *jmiao@bistu.edu.cn

收稿日期: 2020年12月26日; 录用日期: 2021年1月20日; 发布日期: 2021年1月28日

摘要

肺结节的早期筛查对肺癌的预防和治疗具有重要的意义。采用计算机断层扫描(CT)可以提高肺癌早期筛 查中肺结节的检出率,是目前最为安全有效的肺癌筛查方式之一。随着CT数据日益增长,使用计算机辅 助诊断(CAD)系统可以极大减少放射科医生的工作量以及降低漏检率。结合近年来肺结节检测的相关文 献,对该领域的研究进展进行了综述。首先介绍了目前广泛应用的胸部CT数据集以及肺结节检测相关 的评价指标。然后介绍并分析了肺结节检测框架中一些有效的方法,包括肺实质分割、候选结节检测 以及假阳性剔除。最后,讨论了该领域存在的挑战以及未来发展的方向,为今后该领域的研究人员提 供参考。

关键词

肺结节,检测,分割,假阳性剔除

Research Progress of Computer Automatic Detection of Pulmonary Nodules in Images

Chen Chen¹, Jun Miao^{1*}, Honggang Qi², Yan Liu², Zhijun Guo³, Haitao Liu³

¹Beijing Key Laboratory of Internet Culture and Digital Dissemination Research, Beijing Information Science and Technology University, Beijing

²School of Computer Science and Technology, University of the Chinese Academy of Sciences, Beijing ³Huabei Petroleum General Hospital, Renqiu Hebei

Email: *jmiao@bistu.edu.cn

Received: Dec. 26th, 2020; accepted: Jan. 20th, 2021; published: Jan. 28th, 2021

*通讯作者。

文章引用: 陈辰, 苗军, 齐洪钢, 刘艳, 郭志军, 刘海涛. 肺结节图像的计算机自动检测研究进展[J]. 计算机科学与应用, 2021, 11(1): 143-155. DOI: 10.12677/csa.2021.111016

Abstract

Early screening of pulmonary nodules is of great significance for the prevention and treatment of lung cancer. Computed tomography (CT) can improve the detection rate of pulmonary nodules in early lung cancer screening, which is one of the most effective lung cancer screening methods. With the increasing of CT data, the use of computer-aided diagnosis (CAD) system can greatly reduce the workload of radiologists and reduce the rate of missed detection. This paper reviews the research progress of pulmonary nodule detection in recent years. Firstly, this paper introduces the widely used chest CT open dataset and the evaluation metrics related to the detection of pulmonary nodule. Then it introduces and analyzes some effective methods in the framework of pulmonary nodule detection, including lung parenchyma segmentation, candidate nodule detection and false positive reduction after detection. Finally, the challenges and future development of this field are discussed, which can provide reference for future researchers in this field.

Keywords

Pulmonary Nodules, Detection, Segmentation, False Positive Reduction

Copyright © 2021 by author(s) and Hans Publishers Inc.

This work is licensed under the Creative Commons Attribution International License (CC BY 4.0).

http://creativecommons.org/licenses/by/4.0/

CC ① Open Access

1. 引言

肺癌是目前发病率和死亡率最高的恶性肿瘤,2018 年肺癌分别占全球癌症发病总数和死亡总数的 11.6%和 18.4% [1]。相较于其他恶性肿瘤患者,肺癌早期患者多无明显的不适症状,一经发现大多已处 于肺癌中晚期。肺癌早期患者的临床表现一般为肺部存在恶性结节,尽早发现肺结节能够有效控制肺部 癌变。肺结节的临床表现为单发或多发、圆形或不规则、边界清晰或不清晰的肺部病灶,直径一般在 3 毫米到 30 毫米。根据结节密度可以将其分为三类:实性结节(Solid Nodule)、部分实性结节(Part-Solid Nodule)和磨玻璃密度结节(Ground Glass Nodule)。不同密度的肺结节,其恶性概率不同,其中部分实性结节的恶性概率最高[2]。

目前低剂量的计算机断层扫描(Computed Tomography, CT)被认为是最为有效且安全的肺结节筛查方 式之一,与胸片检查相比,CT 检查可以将肺癌死亡率降低 20%以上[3]。通常一次 CT 扫描会产生数百张 切片图像,放射科医生需要观察每张切片上的肺部组织来筛查肺结节。由于肺结节大小形态各异且 CT 切片数量较大,通过人工筛查肺结节是件相当耗时且困难的任务。随着计算机技术的发展,采用计算机 辅助诊断(Computer Aided Diagnosis, CAD)可以高效地实现肺结节检测。一般来说,肺结节检测框架主要 包括三个阶段:肺实质分割、候选结节检测以及假阳性剔除。肺实质分割的目的是将肺结节的检测范围 限制在肺部区域,以免检测到肺部外的假阳性。候选结节检测的是尽可能多地将肺结节检出,降低漏检 的可能。假阳性剔除的目的是剔除候选结节中的假阳性结果,减少误检的情况。与一般的目标检测任务 相比,由于多数肺结节尺寸较小、形态各异,且结节周边的肺内环境复杂,肺结节检测的难度更大。

本文结合近年来肺结节检测相关的文献方法,从数据集及评价指标、肺实质分割、候选结节检测和 假阳性剔除四个方面,介绍了肺结节检测的研究进展,并对各检测方法的效果进行了比较分析。最后对 该领域目前存在的难点以及未来的发展进行一定的讨论和总结。

2. 数据集及评价指标

2.1. LIDC-IDRI (The Lung Image Database Consortium and Image Database Resource Initiative)

LIDC-IDRI 数据集是由美国国家癌症研究所发起,并由 7 个研究机构和 8 个医学影像公司共同建立 的一个标准的数据集。该数据集提供了来自 1010 个患者的 1018 例临床胸部 CT 扫描图像以及相关的可 扩展标记语言(Extensive Markup Language, XML)文件,其中 CT 图像的切片厚度平均为 1.74 毫米。XML 文件中记录了四位放射科医生标注的结节特征、类型和位置等信息。每位放射科医生独立完成标注,将 病灶分为三类:直径大于 3 毫米的结节、直径小于 3 毫米的结节以及非结节。LIDC-IDRI 数据集共有 7371 个由至少一位放射科医生标注为结节的病灶,其中 2669 个病灶被至少一位放射科医生标注为直径大于 3 毫米的结节,有 928 个病灶被四位放射科医生均标注为大于 3 毫米的结节。LIDC-IDRI 数据集提供一个 重要的医学影像学研究资源,目前被肺结节研究领域广泛应用。

2.2. LUNA16 (Lung Nodule Analysis 2016)

LUNA16数据集是 2016 年为了大规模评估肺结节检测算法而推出的肺结节检测数据集,其数据来自 LIDC-IDRI。为了使 CT 数据更为标准,LUNA16 去除了 LIDC-IDRI 中切片厚度大于 3 mm、切片间隔不 一致以及部分切片缺失的 CT,最后产生 888 张 CT,保存为.mhd 格式。在这 888 张 CT 中,共有 36,378 个来自 LIDC-IDRI 的标注。LUNA16 只纳入其中直径大于 3 mm 的结节标注,并且合并两个中心距离小 于半径和的结节(合并后的中心和半径是两个结节的均值)。经过上述处理,选取剩下至少由三位专家标注 的 1186 个结节标注作为最后需要检测的区域。同时,LUNA16 还提供了用于进行假阳性剔除的候选区域 标注,候选区域的计算方式采用现有的三种候选检测算法[4] [5] [6]。由于病灶可以被多个候选者检测到, 因此将中心位置小于 5 mm 的候选区域合并。使用这种方法,在 1186 个结节中,有 1120 个结节被检测 出 551,065 个候选区域,其中每个候选区域都被标注了类别标签,0 代表非结节,1 代表结节。

2.3. DSB2017 (Data Science Bowl 2017)

DSB2017 是美国 Kaggle 公司举办的通过病人胸部 CT 诊断是否患有肺癌的竞赛,旨在召集数据科学和医学界开发有效的肺癌检测算法。该数据集是由美国国家癌症研究中心提供的高风险患者的 DICOM 格式的 CT 图像,其中包含切片厚度、切片间隔等信息。该数据集只提供了每个患者的二进制标签,表明此患者在之后一年内是否被诊断为肺癌。DSB 数据集中含有许多直径超过 40 mm 的大结节,结节平均直径为 13.68 mm。DSB 数据分为两个阶段: stage 1 和 stage 2。stage 1 为训练集和验证集,用于训练模型以及验证模型的性能,其中训练集 1397 个病例,验证集 198 个病例。stage 2 为测试集,共 506 个病例, 其数据质量要高于 stage 1,通常扫描切片的厚度更薄。

2.4. 评价指标

2.4.1. 查准率(Precision)、查全率(Recall)以及特异度(Specificity)

查准率和查全率是信息检索中常用的评价检索或分类性能的方法[7],目前通常用于定量分析肺结节 检测和分类的实验结果。在计算时会用到四个变量:真阳性(True Positive, TP),实际为正样本,并被预测 为正样本;假阳性(False Positive, FP),实际为负样本,但被预测为正样本;真阴性(True Negative, TN), 实际为负样本,并被预测为负样本;假阴性(False Negative, FN),实际为正样本,但被预测为负样本。查 准率又称精准率,表示当前被预测为正样本中正确分类的比例,如式(1)。查全率又称召回率或真阳性率 (TPR),表示被预测为正的样本占所有真实的正样本的比例,如式(2)。特异度又称真阴性率(TNR),表示 被预测为负的样本占所有真实的负样本的比例,如式(3)。表示 F1-Score 可以综合查准率和查全率的结果 来评价预测的效果,如式(4)。

$$Precision = \frac{TP}{TP + FP}$$
(1)

$$\operatorname{Recall} = \frac{\mathrm{TP}}{\mathrm{TP} + \mathrm{FN}}$$
(2)

Specificity =
$$\frac{TN}{TN + FP}$$
 (3)

$$F1 = \frac{2 \times (Precision \times Recall)}{Precision + Recall}$$
(4)

2.4.2. 常用的评价曲线

ROC (Receiver Operating Characteristic)曲线表示特异度和灵敏度(Sensitivity)之间的关系,其中灵敏度 即为查全率,纵轴为灵敏度,横轴为假阳性率(1-特异度)。将模型检测时的置信度阈值设置多个值,每个 阈值可以得到不同的特异度和灵敏度,从而可以绘制出 ROC 曲线。通常 ROC 曲线越趋近左上角,预测 的假阳性和假阴性总数越少,检测性能越好。更为直观的比较方法是计算 AUC (Area Under Curve)值,即 ROC 曲线下的面积,通常 AUC 值越大,模型的性能越好。FROC (Free-Response Operating Characteristic) 曲线与 ROC 曲线相类似,纵轴为灵敏度,横轴为平均每次扫描的假阳性数(FPs/Scan),曲线越趋近左上 角表示性能越好。在肺结节检测中假阳性数量通常较多,横轴采用平均每次扫描的假阳性数更方便对比 不同模型的检测性能,因此在医学影像分析竞赛中大多采用 FROC 曲线。

2.4.3. 竞争性能指标(Competition Performance Metric, CPM)

CPM 是指 FROC 曲线中定义的 7 个假阳性率的敏感度平均值: 1/8, 1/4, 1/2, 1, 2, 4 和 8 FPs/scan, 如式(5)。CPM 最早在 2009 年肺结节检测 ANODE09 [8]中提出,随后成为大多数肺部结节检测竞赛的评价指标。

$$CPM = \frac{1}{7} \sum_{i=FPs} Sensitivity(i), FPs = \left\{\frac{1}{8}, \frac{1}{4}, \frac{1}{2}, 1, 2, 4, 8\right\}$$
(5)

3. 肺结节检测框架

肺结节检测框架一般包括三个部分:肺实质分割、候选结节检测以及假阳性剔除,如图 1 所示。肺 实质分割是检测前十分重要的预处理步骤。在胸部 CT 中,通常会出现躯干、主气管以及床板等肺实质 以外的图像信息,在检测时会出现将这些信息检测为肺结节的情况。为了避免这种情况,在进行肺结节 检测之前,将肺实质区域从胸部 CT 中分割提取出来是保证检测有效性的必要前提。候选结节检测的目 的是在保证一定精准率和召回率的情况下尽可能多的检出图像中疑似为结节的区域,肺结节检出的越多, 漏检的可能越小,患者的生存率越高。为了保证候选结节检测时的高召回率,候选结节中通常含有大量 的假阳性结果,因此需要进行假阳性剔除来进一步精确检测结果。通常采用有效的分类器对检测到的候 选结节进行分类,进而剔除假阳性候选结节。

3.1. 肺实质分割

目前研究人员在肺实质分割领域做了大量的研究,采用不同的技术方法实现肺实质的自动分割,主要分为基于传统图像处理的分割方法和基于深度学习的分割方法。



Figure 1. The framework of pulmonary nodule detection 图 1. 肺结节检测框架

3.1.1. 基于传统图像处理的分割方法

基于传统图像处理的肺实质分割主要有[9]基于阈值的方法和基于区域的方法。基于阈值的方法是最 基本的一种分割方法,由于肺实质区域内多为气体,其密度值小于周围组织,因此易于寻找阈值对肺实 质进行分割。基于阈值的方法是假设 CT 图像中只包含两类体素:身体及胸壁结构的高密度体素和肺内 气体以及体外空气的低密度体素。利用最优阈值法[10][11][12][13]计算出合适的分割阈值,从而将肺实 质区域进行初步的分割。一般初步分割后的结果并不准确,需要采用形态学方法对初步分割区域的组织 进行分离,目的是得到分离的左右肺并移除主气管以及肺内的主支气管。最后对左右肺上由血管或结节 形成的孔洞进行填充,并对其边界上的凹陷以及凸起进行平滑。基于阈值的分割方法比较直观,分割速 度快且计算成本较低,结果一般具有可复现性。但由于阈值法通常不考虑分割目标的空间特征,因此不 同成像条件下产生的噪声或成像伪影会对分割效果造成一定影响。

基于区域的方法是假设同一区域内的相邻体素值较为相似,其中应用最多的是区域生长法[14] [15] [16],一般步骤是选取某个体素与其相邻体素进行比较,如果满足预设标准,则认为该体素与其一或多个 相邻体素属于同一类。区域生长法的不足在于难以选取合适的预设标准,但相较于基于阈值的分割方法, 区域生长法更为准确有效。分水岭算法[13] [17]也是基于区域的一种分割方法,主要思想是将图像看做拓 扑地貌,图像中的灰度值作为该点海拔,区分"高山"与"湖泊"的界限即为分割线,分水岭算法对微 弱边界的响应较强,但同时图像中的噪声及细微变化会导致过度分割的现象。文献[17]使用内部和外部标 记对肺部区域精准标注,对标注后的图像与原始数据的梯度图合并后的图像应用分水岭算法,消除了一 定过度分割的现象。除了上述两种方法,还有随机游走[18] [19]、模糊连通性[20]等基于区域的方法。基 于区域的分割方法利用了图像中的空间邻域信息,在应对成像伪影等问题时具有较强的鲁棒性。

3.1.2. 基于深度学习的分割方法

深度学习目前在图像处理和计算机视觉任务中的表现优于其他方法,继而出现了许多基于深度学习的肺实质分割方法。Harrison 等[21]提出一种基于 HNN [22]的渐进式整体嵌套网络(progressive holistically-nested networks, P-HNNs)用于肺实质分割, P-HNNs 在 HNN 的基础上增加了渐进的多分辨率路径连接,在不需要额外的网络参数的情况下,解决了 HNN 输出模糊以及全卷积网络分辨率粗化的问题。实验 结果表明,该方法在 929 个胸部 CT 数据上的平均 Dice 系数[23]为 0.985。

Ronneberger 等[24]提出并实现了一种用于生物医学图像分割的 U 型全卷积网络结构—U-Net。如图 2 所示,U-Net 包括一个用于收缩路径与其对称的扩展路径,在收缩路径与其对称扩展路径间有多条特征 通道。由于 U-Net 的特殊结构,通常只需要很少的训练样本,便能在分割任务上提供了很好的性能[24] [25]。此外,其端到端的训练方式可以在前向计算过程中处理整个图像并直接生成分割图。文献[26]采用 11 层 卷积构成的 U-Net 进行了肺实质分割实验,研究人员将 267 张尺寸为 128 × 128 像素的肺部图像缩小为 32 × 32 像素,随后按 7:3 的比例划分训练集与测试集,模型在测试集上的分割精度为 96.78%。但由于对

原图像缩小比例过大,在高清 CT 图像(通常为 512 × 512 像素)上的分割效果并不理想,分割后的肺实质 图像无法进行后续的检测工作。



Pang 等[27]提出一种将 U-Net 与传统图像处理方法相结合的肺实质分割方法,该方法将预处理和分 为一个迭代过程: 首先预处理部分采用维纳滤波(Wiener Filter)对 CT 图像进行去噪,随后分割部分

割作为一个迭代过程: 首先预处理部分采用维纳滤波(Wiener Filter)对 CT 图像进行去噪,随后分割部分 利用灰度共生矩阵生成初始分割图像,最后 U-Net 再对初始分割图像进一步的细化并输出分割图像,直 至当前 U-Net 输出的分割图像与上一次输出相同时,得到最终的分割图像。文献[25]在 U-Net 的基础上结 合 ResNet [28]和 RCNN [29]提出了两种实现分割任务的模型: RU-Net 和 R2U-Net。两个模型在包含 267 个图像的肺实质分割数据集[30]上训练与测试,Dice 系数最高分别为 0.9863 和 0.988。

3.2. 候选结节检测

早期的候选结节检测多采用一些传统方法,如阈值分割、形态学运算、聚类、区域生长等[4] [5] [6] [31] [32]。这些传统的图像处理方法多是根据像素值以及图像的低层特征发展而来,由于结节的形状、大小以及纹理变化较大,传统方法很难提取到判别性特征。这会导致生成大量的假阳性候选结节,给后续的假阳性剔除工作带来很大的难度。随着深度学习的广泛应用,越来越多基于深度神经网络的检测算法被提出。目前,基于卷积神经网络(Convolutional Neural Network, CNN)的方法即能获取图像的低层特征,又能提取高层特征。常见的检测网络主要采用残差网络(Residual Network, ResNet) [28]、U-Net、特征金字塔网络(Feature Pyramid Network, FPN) [33]、区域卷积神经网络(Region Convolutional Neural Network, RCNN) [34]等结构。

由于 Faster RCNN [35]出色的检测性能,因此被广泛应用于候选结节检测方向。Ding 等[36]提出了一种基于 2D Faster RCNN 的候选结节检测方法,如图 3 所示,图像经过深度卷积神经网络(DCNN)特征提取,由区域建议网络(Region Proposal Network, RPN)给出感兴趣区域(Region Of Interest, ROI),随后经过ROI 池化将感兴趣区域的特征图变为统一尺寸,并送入全连接网络对其分类和位置精修。相较于原始的Faster RCNN 模型,该方法在 RPN 前加入反卷积层,恢复了更多的细粒度特征,使得检测灵敏度提升了12.9%。由于肺结节的尺寸要比自然图像中的检测目标更小,因此经过 VGG-16 [37]的五组卷积后不能清晰地描述结节特征,导致检测 ROI 的性能下降。此外,为了解决直接将原始 CT 的三维数据作为网络输入计算开销较大的问题,研究人员将待检测的切片与其相邻的两个切片按轴连接,并重新缩放为600×600×3 像素的图像作为输入。但这种方式同时丢失了结节的部分空间特征,会生成较多假阳性候选结节。



图 3. Faster RCNN 检测流程

Liao 等[38]提出一种利用 3D RPN 进行候选结节检测的方法。该模型由特征提取和定位两部分组成,特征提取部分采用残差块(Residual Block)与 U 型网络结构结合的 3D DCNN,定位部分使用 3D RPN 直接输出结节的坐标与置信度。由于 DCNN 中加入了 U 型网络结构,其收缩与扩展两个路径使得 RPN 可以接受到更多细粒度特征,因此对于候选结节的定位更准确。文献[39]将双路径网络(DPN)与 U 型网络结构相结合,利用 26 个双路径块来学习三维数据更高层次的特征,随后将特征送入 3D RPN 得到候选结节区域。但由于候选结节的位置直接经过 RPN 进行输出,并未进行进一步的分类和回归,因此对于结节的检测具有一定的局限性。

Tang 等[40]提出一种基于 3D Faster RCNN 的多任务端到端的模型,该模型将候选结节检测、假阳性 剔除与结节分割整合到同一框架内。其中候选结节检测部分采用类似 U-Net 的网络结构对 CT 数据进行 特征提取,随后将特征图送入两个平行的 1×1×1 的三维卷积层,分别生成特征图每个体素对应的置信 度和对应锚点(Anchor) [35]的六个回归项(深度、高度、宽度以及中心的三个轴坐标)以提取相应的 ROI。 由于使用耦合特征进行学习会降低网络性能[41],因此用于分类和回归的 ROI 取自比 RPN 更浅层的特征 图,使分类和回归能够学到与 RPN 不同的特征。实验结果表明,该方法在 LIDC-IDRI 数据集上的平均 CPM 为 0.8727。

Ozdemir 等[42]提出一种能够在任意尺寸 CT 上进行候选结节检测的模型,该模型是基于 V-Net [43] 的 3D 全卷积网络,网络采用三个编码器与解码器的块对,除了输入层和输出层外加入对应的跨层连接。 编码器使用两层卷积核尺寸为 3 的下采样卷积,并加入残差连接。与编码器基本相同,解码器采用两层 上采样反卷积。首先根据 LUNA16 数据集提供的肺结节注释,制作其对应 CT 的结节掩码。由于结节相 对于完整 CT 尺寸太小,将整个 CT 作为输入会导致网络不收敛,无法进行训练。研究人员在原始 CT 中 随机采集结节附近 64 × 64 × 64 体素的立方数据,将其作为训练样本,使用交叉熵损失函数训练网络。通 过对网络输出的体素阈值化,并基于每个体素的连通度来标记所有的独立区域,得到候选结节的区域。 该方法成功地使用全卷积网络来进行候选结节检测的任务,候选结节的定位更加直观,但由于使用交叉 熵损失函数,全卷积网络对于较小的结节不够敏感,容易造成漏识的情况。此外,对于不同成像条件下 的 CT 图像,其网络输出的阈值需要进行一定的调整。

Masood 等[44]基于云计算提出一种多层 RPN 的候选结节检测模型,通过使用多个 RPN 提取 ROI 增强特征提取的过程,使候选结节的定位更加准确。该模型通过 VGG-16 的五组卷积块和一层反卷积层后得到特征图,随后将特征图分别送入多个 RPN 进行给出区域建议。为了容纳不同尺寸的结节,研究人员

为每个 RPN 设置了 7 组不同长宽比和尺寸的 Anchor。采用多层 RPN 进行候选结节检测可以同时考虑结节的直径和体积,因此结节的检测效率显著提升。该模型在 LDIC-IDRI 数据集上的实验结果表明,使用 多层 RPN 可以提升 0.7%的召回率。

3.3. 假阳性剔除

传统的假阳性剔除工作通常利用人工设计的特征,将特征送入支持向量机、k 近邻或 Adaboost 等分 类器来降低假阳性[4] [45] [46]。但由于结节形态、纹理和大小较为多变,因此针对一种结节设计的特征 的表达能力较为有限,往往不适用于具有不同特征的其他类型结节。此外,由于肺内环境十分复杂,这 些特征不具有较强的判别性来区分肺结节与其他组织,难以对大量的假阳性候选结节进行准确的剔除。 近年来,CNN 在医学图像分析领域取得了出色的效果,研究人员提出了大量卓有成效的基于 CNN 的假 阳性剔除方法。

Zuo 等[49]对 HNN [22]进行了知识转移(Knowledge Transfer),利用 HNN 能够从不同的深度的隐含层 提取特征的能力,可以解决由于肺结节大小、形状不一致以及 CT 影像不均匀造成的特征表达困难。研 究人员将以 LUNA16 中 1186 个标注结节的坐标中心生成的切片作为正样本,以肺实质区域随机生成坐 标为中心的切片作为负样本。将候选结节经过不同深度的卷积与池化后的输出作为不同分支,每个分支 可以得到不同层次和分辨率的特征,然后将这些特征裁切至相同尺寸后进行合并,合并后的特征经过全 连接网络进行分类。实验结果表明,该方法在 LUNA16 数据集上进行假阳性剔除的准确率为 97.33%。通 过多分辨率的方式分析结节特征,该方法将一些不明显的结节正确识别,但由于完整的肺结节分布在多 张切片上,使用 2DCNN 在获取切片间的上下文信息存在局限性。

Liu 等[47]受到运动历史图(Motion History Image, MHI) [48]的启发,提出一种位置历史图(Location History Image, LHI)算法进行假阳性剔除。首先通过 3D FPN 进行候选结节检测,将候选结节的立体数据 生成 LHI,随后将 LHI 送入一个由两层卷积和三层全连接组成的 2D CNN 中进行分类。由于真实结节在 连续切片上的变化趋向于向轮廓外扩展或向中心递减,因此利用这一变化可以将结节切片间的上下文信 息通过二维数据进行表达。实验结果表明,将这一方法应用在候选结节检测后,能够成功减少 84.5%的 假阳性。该方法采用 2D CNN 有效减少了计算成本,但由于 LHI 丢失了结节的密度、纹理等信息,对于 假阳性剔除具有一定的局限性。

Dou 等[50]提出了一种基于多尺度信息融合的 3DCNN 模型,首先以候选结节为中心提取尺寸分别为 20×20×6,30×30×10和40×40×26 的立方数据,三种尺寸的立方数据分别包含结节周围不同层次的 背景信息。以结节的周围范围作为网络的感受野,通常感受野过大会导致冗余信息过多,造成网络性能 下降,感受野太小会导致上下文信息不足,网络得不到充分训练,无法处理结节背景过大的变化。该模型由三个不同感受野大小的 3D CNN 组成,每个 CNN 结合候选结节周围的多层次背景信息给出各自的预测结果,随后将三组结果进行融合得出最后的分类结果。

Kim 等[51]提出一种多尺度逐步积分 3D CNN,通过逐步整合多尺度上下文信息有效的完成假阳性剔除。首先候选结节被处理为文献[50]中三种尺寸的立方数据,将其处理为同一尺寸,此时三种立方数据虽然对应同一结节坐标中心,但具有不同的分辨率。随后三种立方数据按照尺度变大和变小两种路径逐步进行特征提取。在放大路径上网络的视野逐渐变小,网络逐渐聚焦于结节的周围区域,能够提取到更多结节的细节特征,同时缩小路径上网络的视野逐渐变大,网络逐渐聚焦于结节的周围区域,与周围区域的上下文相结合能够提取到结节的形态特征。通过两个路径得到的特征经过整合后送入后续的卷积层和全连接层,形成一个完整的端到端的网络。该方法在 LUNA16 数据集上的平均 CPM 为 0.942,在假阳性剔除任务上取得很好的性能。

4. 结果比较与讨论

为了更好地展示各种检测方法的效果,表1中列举了所述文献中各方法所采用的网络结构,以及在 不同数据集上的实验结果。其中两阶段的方法是指在肺结节检测过程中,候选结节检测与假阳性剔除两 个模型分别完成各自的任务,表中两阶段的方法均为进行假阳性剔除后的实验结果。从目前提出的方法 可以看到,部分研究人员选择采用两阶段方法完成肺结节检测,如文献[36] [42] [44] [47],两阶段方法可 以尽可能利用目前最先进目标检测算法和图像分类算法,并且在检测流程上更加直观。此外,当检测效 果受到模型的限制时,采用两阶段方法可以更容易找到问题所在,从而有针对性对某一阶段模型进行调 整,具有较高的灵活性。根据实验结果可以看出,采用两阶段方法在 LUNA16 数据集上进行肺结节检测 的 CPM 均在 0.89 以上,相比于只进行候选结节检测的模型效果要更好。从长远的角度来看,在现有的 候选结节检测模型基础上,结合更为有效的假阳性剔除模型,可以开发性能更好的肺结节检测框架。文 献[40]采用端到端的方式,将候选结节检测和假阳性剔除两部分的损失作为模型的整体损失进行训练,模 型的整体学习能力更强,因此在未来的研究工作中可以将两阶段方法改进为端到端训练的方式。

Table 1. Comparison of experimental results of different methods 表 1. 各方法实验结果比较

作者	年份	方法	数据集	最佳性能
Dou [50]	2016	假阳性剔除(3D CNN)	LUNA16	CPM:0.827
Ding [36]	2017	两阶段 (2D Faster RCNN + 3D CNN)	LUNA16	CPM:0.891
Liao [38]	2017	候选结节检测 (3D RPN)	DSB2017	CPM:0.8562
Zhu [39]	2018	候选结节检测(DPN)	LUNA16	CPM:0.842
Tang [40]	2019	端到端(多任务 3D DCNN)	LIDC	CPM:0.8727
Kim [51]	2019	假阳性剔除(3D CNN)	LUNA16	CPM:0.942
Liu [47]	2019	两阶段(3D FPN + 2D CNN)	LUNA16 SPIE-AAPM [52] Lung TIME [53] HMS Lung Cancer [54]	CPM:0.957 CPM:0.899 CPM:0.889 CPM:0.871
Ozdemir [42]	2020	两阶段(V-Net + 3D CNN)	LUNA16	CPM:0.921
Masood [44]	2020	两阶段(多层 RPN + 3D CNN)	LUNA16 LIDC-IDRI ANODE09	CPM:0.946 Sensitivty:0.974 Sensitivty:0.988

从表 1 可以看到,当前肺结节检测模型都是基于 CNN 的变体,目前肺结节检测的发展趋势是对最先进的 CNN 模型进行调整,使其在肺结节检测和分类上达到最佳性能。Ding 等将 Faster RCNN 引入肺结节检测领域,并在其基础上加入反卷积结构,在 LUNA16 数据集上的 CPM 达到 0.891,取得了 LUNA16 挑战结节检测阶段的第一名。Liao 则是将 Faster RCNN 拓展到三维,并将 U-Net 的结构运用在特征提取阶段,在 DSB2017 数据集上的 CPM 为 0.8562,获得 DSB2017 肺癌检测竞赛的冠军。随着 CNN 的不断发展,更多的网络结构被应用在肺结节检测领域,目前在 LUNA16 数据集上取得最佳性能的模型是文献

[47]提出的 3D FPN 和 HS²Net,其 CPM 为 0.957。

5. 总结与展望

本文着重介绍了肺实质分割的研究进展,相较于候选结节检测与假阳性剔除,肺实质分割作为一个 重要的数据预处理步骤,与后续的检测工作关系十分紧密,选择不同的肺实质分割方法对肺结节检测的 结果有着不同程度的影响。在本文所述文献中,利用深度学习方法进行肺实质分割取得了较好的效果, 相较于利用传统图像处理技术的方法,深度学习能够以数据驱动的方式学习肺实质的特征,进而准确地 分割肺实质区域。此外,由于采用传统图像处理方法进行肺实质分割需要进行迭代计算或连通区域计算 等较为耗时的操作,采用深度学习方法能够更快地得到分割结果。但深度学习方法需要大量标注过的分 割数据,同时需要较高要求的计算设备。因此,如果研究人员拥有较多带有金标准的肺实质分割数据集 以及具备高标准的计算资源,建议采用基于深度学习的分割方法,否则建议采用基于传统图像处理的方 法。

目前,由于 CNN 在计算机视觉的广泛应用,研究人员倾向于使用基于 CNN 的算法来代替传统的肺结节检测方法。在所述的文献中,具有优异性能的检测模型应用了大量先进的 CNN 网络结构,例如 ResNet、U-Net、FPN 等。在文献[38] [39] [40]中,采用 ResNet 的跨层连接结构解决了网络退化的问题,使网络深度可以进一步增加,提取更高层次的特征。在文献[38] [39] [42]中使用了类似 U-Net 的网络结构,由于U-Net 中包括一个用于捕获上下文的收缩路径和一个支持精确定位的对称扩展路径,并在收缩路径与其对称扩展路径间增加了特征通道,使得收缩路径得到的高分辨率特征可以与扩展路径的高级语义特征相结合,其扩展路径对检测小尺寸结节有较大的帮助。文献[47]采用了 FPN 的网络结构,FPN 可以对每一种尺度的图像进行特征提取,能够产生多尺度的特征表示,并将不同层次的特征图用连接的方式进行融合,使每个层次的特征图都具有较强的语义信息。通过整合多尺度信息,能够大幅度提升小尺寸结节的检测效果。可以看到,将目前计算机视觉领域较为先进的网络结构应用到肺结节检测模型上,可以进一步提升肺结节检测的效果。

虽然现有的肺结节检测方法达到了较为满意的效果,但当前仍存在一定的挑战。由于基于深度学习 的肺结节检测方法依赖于大量高质量的金标准数据,因此高质量的金标准数据是进一步提升肺结节检测 性能的关键。但现有的胸部 CT 公开数据集并没有进行有序的标记,大量数据集之间的注释信息较为混 乱,因此金标准数据极为稀缺。数据缺乏一方面是因为胸部 CT 多为保密数据,医院通常出于保护病人 隐私的需要,无法将数据提供给研究人员。另一方面是因为带有金标准的图像数据需要放射科医生花费 大量的时间和精力进行标注,往往专业医生没有时间对数据进行精准的标注,而非专业人员的标注则容 易出现误标或漏标。为了缓解这一问题,通常是采用数据扩增的技术,对现有的数据进行裁剪、旋转、 翻转或者缩放的方法来增加训练样本的数量和多样性,但这种方法终归具有一定的局限性。目前,生成 式对抗网络(Generative Adversarial Network, GAN) [55]可以利用给定的训练集通过生成器和判别器的相 互对抗生成新的数据样本,随着 GAN 的发展,若能采用 GAN 生成更多的 CT 图像以及结节样本用于训 练,将大大降低数据获取的成本。当存在大量的未标记 CT 数据时,可以进一步研究基于半监督或自监 督的学习方法,这样可以大大节省人工标注的时间和精力。目前多模态图像融合的方式在图像识别领域 取得了显著的效果[56],采用多流 CNN 可以充分利用多模态特征,包括低层图像特征和高层语义特征。 在将来可以利用病人的更多信息,将多模态数据送入多流 CNN 框架,让模型学习不同的语义特征,从而 提高结节检测的准确性。此外,还可以采用迁移学习的方法,将在其他医学影像上学习的模型应用在肺 结节检测任务上,利用从不同的疾病模式中提取的特征进行学习,可以在一定程度上解决数据缺乏以及 过拟合的问题。

基金项目

北京市自然科学基金项目(资助号: 4202025), 国家自然科学基金项目(资助号: 61771341, 41776204), 北京教委科技计划项目(资助号: KM201911232003),北京未来芯片技术高精尖创新中心科研基金(资助号: KYJJ2018004)。

参考文献

- Bray, F., Ferlay, J., Soerjomataram, I., *et al.* (2018) Global Cancer Statistics 2018: GLOBOCA Estimates of Incidence and Mortality Worldwide for 36 Cancers in 185 Countries. *CA: A Cancer Journal for Clinicians*, 68, 394-424. <u>https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/30207593</u> <u>https://doi.org/10.3322/caac.21492</u>
- [2] 周清华, 范亚光, 王颖, 乔友林, 王贵齐, 黄云超, 王新允, 吴宁, 张国桢, 郑向鹏, 步宏. 中国肺部结节分类、诊断与治疗指南(2016 年版) [J]. 中国肺癌杂志, 2016, 19(12): 793-798.
- [3] National Lung Screening Trial Research Team (2011) Reduced Lung-Cancer Mortality with Low-Dose Computed Tomographic Screening. New England Journal of Medicine, 365, 395-409. <u>https://doi.org/10.1056/NEJMoa1102873</u>
- [4] Messay, T., Hardie, R.C. and Rogers, S.K. (2010) A New Computationally Efficient CAD System for Pulmonary Nodule Detection in CT Imagery. *Medical Image Analysis*, 14, 390-406. <u>https://doi.org/10.1016/j.media.2010.02.004</u>
- [5] Murphy, K., van Ginneken, B., Schilham, A.M.R., et al. (2009) A Large-Scale Evaluation of Automatic Pulmonary Nodule Detection in Chest CT Using Local Image Features and k-Nearest-Neighbour Classification. Medical Image Analysis, 13, 757-770. <u>https://doi.org/10.1016/j.media.2009.07.001</u>
- [6] Hardie, R.C., Rogers, S.K., Wilson, T., et al. (2008) Performance Analysis of a New Computer Aided Detection System for Identifying Lung Nodules on Chest Radiographs. *Medical Image Analysis*, 12, 240-258. <u>https://doi.org/10.1016/j.media.2007.10.004</u>
- [7] Lewis, D. (1991) Evaluating Text Categorization. In: Proceedings of Speech and Natural Language Workshop, Morgan Kaufmann, Burlington, 312-318. <u>https://doi.org/10.3115/112405.112471</u>
- [8] Van Ginneken, B., Armato III, S.G., de Hoop, B., et al. (2010) Comparing and Combining Algorithms for Computer-Aided Detection of Pulmonary Nodules in Computed Tomography Scans: The ANODE09 Study. Medical Image Analysis, 14, 707-722. <u>https://doi.org/10.1016/j.media.2010.05.005</u>
- [9] Mansoor, A., Bagci, U., Foster, B., et al. (2015) Segmentation and Image Analysis of Abnormal Lungs at CT: Current Approaches, Challenges, and Future Trends. RadioGraphics, 35, 1056-1076. <u>https://doi.org/10.1148/rg.2015140232</u>
- [10] Hu, S., Hoffman, E.A. and Reinhardt, J.M. (2001) Automatic Lung Segmentation for Accurate Quantitation of Volumetric X-Ray CT Images. *IEEE Transactions on Medical Imaging*, 20, 490-498. <u>https://doi.org/10.1109/42.929615</u>
- [11] Shariaty, F., Hosseinlou, S. and Rud, V.Y. (2019) Automatic Lung Segmentation Method in Computed Tomography Scans. *Journal of Physics: Conference Series*, **1236**, Article ID: 012028. https://doi.org/10.1088/1742-6596/1236/1/012028
- [12] Zhang, W., Zhang, X., Zhao, J., et al. (2017) A Segmentation Method for Lung Nodule Image Sequences Based on Superpixels and Density-Based Spatial Clustering of Applications with Noise. PLoS ONE, 12, e0184290. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0184290
- [13] Vincent, L. and Soille, P. (1991) Watersheds in Digital Spaces: An Efficient Algorithm Based on Immersion Simulations. IEEE Transactions on Pattern Analysis & Machine Intelligence, 13, 583-598. <u>https://doi.org/10.1109/34.87344</u>
- [14] Adams, R. and Bischof, L. (1994) Seeded Region Growing. IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence, 16, 641-647. <u>https://doi.org/10.1109/34.295913</u>
- [15] Wu, J., Poehlman, S., Noseworthy, M.D., et al. (2008) Texture Feature Based Automated Seeded Region Growing in Abdominal MRI Segmentation. 2008 International Conference on BioMedical Engineering and Informatics IEEE, Vol. 2, 263-267. <u>https://doi.org/10.1109/BMEI.2008.352</u>
- [16] Zhao, J., Ji, G., Han, X., et al. (2016) An Automated Pulmonary Parenchyma Segmentation Method Based on an Improved Region Growing Algorithmin PET-CT Imaging. Frontiers of Computer Science, 10, 189-200. https://doi.org/10.1007/s11704-015-4543-x
- [17] Shojaii, R., Alirezaie, J. and Babyn, P. (2005) Automatic Lung Segmentation in CT Images Using Watershed Transform. *IEEE International Conference on Image Processing*, 2, II-1270. https://doi.org/10.1109/ICIP.2005.1530294
- [18] Grady, L. (2006) Random Walks for Image Segmentation. IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intel-

ligence, 28, 1768-1783. https://doi.org/10.1109/TPAMI.2006.233

- [19] Qin, C., Zhang, G., Zhou, Y., et al. (2014) Integration of the Saliency-Based Seed Extraction and Random Walks for Image Segmentation. *Neurocomputing*, **129**, 378-391. <u>https://doi.org/10.1016/j.neucom.2013.09.021</u>
- [20] Udupa, J.K. and Samarasekera, S. (1996) Fuzzy Connectedness and Object Definition: Theory, Algorithms, and Applications in Image Segmentation. *Graphical Models and Image Processing*, 58, 246-261. https://doi.org/10.1006/gmip.1996.0021
- [21] Harrison, A.P., Xu, Z., George, K., et al. (2017) Progressive and Multi-Path Holistically Nested Neural Networks for Pathological Lung Segmentation from CT Images. International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention, Springer, Cham, 621-629. <u>https://doi.org/10.1007/978-3-319-66179-7_71</u>
- [22] Xie, S. and Tu, Z. (2015) Holistically-Nested Edge Detection. Proceedings of the IEEE International Conference on Computer Vision, Santiago, 7-13 December 2015, 1395-1403. <u>https://doi.org/10.1109/ICCV.2015.164</u>
- [23] Dice, L.R. (1945) Measures of the Amount of Ecologic Association between Species. *Ecology*, 26, 297-302. <u>https://doi.org/10.2307/1932409</u>
- [24] Ronneberger, O., Fischer, P. and Brox, T. (2015) U-Net: Convolutional Networks for Biomedical Image Segmentation. International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention, Springer, Cham, 234-241. https://doi.org/10.1007/978-3-319-24574-4_28
- [25] Alom, M.Z., Yakopcic, C., Hasan, M., et al. (2019) Recurrent Residual U-Net for Medical Image Segmentation. Journal of Medical Imaging, 6, Article ID: 014006. <u>https://doi.org/10.1117/1.JMI.6.1.014006</u>
- [26] Shaziya, H., Shyamala, K. and Zaheer, R. (2018) Automatic Lung Segmentation on Thoracic CT Scans Using u-Net Convolutional Network. 2018 International Conference on Communication and Signal Processing (ICCSP) IEEE, Chennai, 3-5 April 2018, 643-647. <u>https://doi.org/10.1109/ICCSP.2018.8524484</u>
- [27] Pang, T., Guo, S., Zhang, X., et al. (2019) Automatic Lung Segmentation Based on Texture and Deep Features of HRCT Images with Interstitial Lung Disease. *BioMed Research International*, 2019, Article ID: 2045432. https://doi.org/10.1155/2019/2045432
- [28] He, K., Zhang, X., Ren, S., et al. (2016) Deep Residual Learning for Image Recognition. Proceedings of the IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition, Las Vegas, 27-30 June 2016, 770-778. <u>https://doi.org/10.1109/CVPR.2016.90</u>
- [29] Liang, M. and Hu, X. (2015) Recurrent Convolutional Neural Network for Object Recognition. *Proceedings of the IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition*, Boston, 7-12 June 2015, 3367-3375.
- [30] Lung Segmentation Dataset. <u>https://www.kaggle.com/kmader/finding-lungs-in-ct-data/data</u>
- [31] Han, H., Li, L., Han, F., et al. (2014) Fast and Adaptive Detection of Pulmonary Nodules in Thoracic CT Images Using a Hierarchical Vector Quantization Scheme. *IEEE Journal of Biomedical and Health Informatics*, 19, 648-659. <u>https://doi.org/10.1109/JBHI.2014.2328870</u>
- [32] Brown, M.S., Lo, P., Goldin, J.G., et al. (2014) Toward Clinically Usable CAD for Lung Cancer Screening with Computed Tomography. European Radiology, 24, 2719-2728. <u>https://doi.org/10.1007/s00330-014-3329-0</u>
- [33] Lin, T.Y., Dollár, P., Girshick, R., et al. (2017) Feature Pyramid Networks for Object Detection. Proceedings of the IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition, Honolulu, 21-26 July 2017, 2117-2125. https://doi.org/10.1109/CVPR.2017.106
- [34] Girshick, R., Donahue, J., Darrell, T., et al. (2014) Rich Feature Hierarchies for Accurate Object Detection and Semantic Segmentation. Proceedings of the IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition, Columbus, 23-28 June 2014, 580-587. <u>https://doi.org/10.1109/CVPR.2014.81</u>
- [35] Ren, S., He, K., Girshick, R., et al. (2016) Faster r-cnn: Towards Real-Time Object Detection with Region Proposal Networks. IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence, 39, 1137-1149. https://doi.org/10.1109/TPAMI.2016.2577031
- [36] Ding, J., Li, A., Hu, Z., et al. (2017) Accurate Pulmonary Nodule Detection in Computed Tomography Images Using Deep Convolutional Neural Networks. In: International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention, Springer, Cham, 559-567. <u>https://doi.org/10.1007/978-3-319-66179-7_64</u>
- [37] Simonyan, K. and Zisserman, A. (2014) Very Deep Convolutional Networks for Large-Scale Image Recognition.
- [38] Liao, F., Liang, M., Li, Z., et al. (2019) Evaluate the Malignancy of Pulmonary Nodules Using the 3-d Deep Leaky Noisy-Or Network. IEEE Transactions on Neural Networks and Learning Systems, 30, 3484-3495. https://doi.org/10.1109/TNNLS.2019.2892409
- [39] Zhu, W., Liu, C., Fan, W., et al. (2018) Deeplung: Deep 3d Dual Path Nets for Automated Pulmonary Nodule Detection and Classification. 2018 IEEE Winter Conference on Applications of Computer Vision (WACV), Lake Tahoe, 12-15 March 2018, 673-681. <u>https://doi.org/10.1109/WACV.2018.00079</u>

- [40] Tang, H., Zhang, C. and Xie, X. (2019) Nodulenet: Decoupled False Positive Reduction for Pulmonary Nodule Detection and Segmentation. In: International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention, Springer, Cham, 266-274. <u>https://doi.org/10.1007/978-3-030-32226-7_30</u>
- [41] Cheng, B., Wei, Y., Shi, H., et al. (2018) Revisiting rcnn: On Awakening the Classification Power of Faster rcnn. Proceedings of the European Conference on Computer Vision (ECCV), Munich, 8-14 September 2018, 453-468. https://doi.org/10.1007/978-3-030-01267-0_28
- [42] Ozdemir, O., Russell, R.L. and Berlin, A.A. (2019) A 3D Probabilistic Deep Learning System for Detection and Diagnosis of Lung Cancer Using Low-Dose CT Scans. *IEEE Transactions on Medical Imaging*, **39**, 1419-1429. https://doi.org/10.1109/TMI.2019.2947595
- [43] Milletari, F., Navab, N. and Ahmadi, S.A. (2016) V-Net: Fully Convolutional Neural Networks for Volumetric Medical Image Segmentation. 2016 Fourth International Conference on 3D Vision (3DV) IEEE, Stanford, 25-28 October 2016, 565-571. <u>https://doi.org/10.1109/3DV.2016.79</u>
- [44] Masood, A., Yang, P., Sheng, B., et al. (2019) Cloud-Based Automated Clinical Decision Support System for Detection and Diagnosis of Lung Cancer in Chest CT. *IEEE Journal of Translational Engineering in Health and Medicine*, 8, 1-13. <u>https://doi.org/10.1109/JTEHM.2019.2955458</u>
- [45] Jacobs, C., van Rikxoort, E.M., Twellmann, T., et al. (2014) Automatic Detection of Subsolid Pulmonary Nodules in Thoracic Computed Tomography Images. *Medical Image Analysis*, 18, 374-384. <u>https://doi.org/10.1016/j.media.2013.12.001</u>
- [46] Naqi, S.M., Sharif, M. and Lali, I.U. (2019) A 3D Nodule Candidate Detection Method Supported by Hybrid Features to Reduce False Positives in Lung Nodule Detection. *Multimedia Tools and Applications*, 78, 26287-26311. https://doi.org/10.1007/s11042-019-07819-3
- [47] Liu, J., Cao, L., Akin, O., et al. (2019) Accurate and Robust Pulmonary Nodule Detection by 3D Feature Pyramid Network with Self-Supervised Feature Learning.
- [48] Davis, J.W. (2001) Hierarchical Motion History Images for Recognizing Human Motion. *Proceedings IEEE Workshop* on Detection and Recognition of Events in Video, Vancouver, 8 July 2001, 39-46.
- [49] Zuo, W., Zhou, F., Li, Z., et al. (2019) Multi-Resolution CNN and Knowledge Transfer for Candidate Classification in Lung Nodule Detection. IEEE Access, 7, 32510-32521. <u>https://doi.org/10.1109/ACCESS.2019.2903587</u>
- [50] Dou, Q., Chen, H., Yu, L., et al. (2016) Multilevel Contextual 3-D CNNs for False Positive Reduction in Pulmonary Nodule Detection. *IEEE Transactions on Biomedical Engineering*, 64, 1558-1567. <u>https://doi.org/10.1109/TBME.2016.2613502</u>
- [51] Kim, B.C., Yoon, J.S., Choi, J.S., et al. (2019) Multi-Scale Gradual Integration CNN for False Positive Reduction in Pulmonary Nodule Detection. Neural Networks, 115, 1-10. <u>https://doi.org/10.1016/j.neunet.2019.03.003</u>
- [52] Armato III, S.G., Hadjiiski, L.M., Tourassi, G.D., et al. (2015) Special Section Guest Editorial: LUNGx Challenge for Computerized Lung Nodule Classification: Reflections and Lessons Learned. *Journal of Medical Imaging*, 2, Article ID: 020103. <u>https://doi.org/10.1117/1.JMI.2.2.020103</u>
- [53] Dolejsi, M., Kybic, J., Polovincak, M., et al. (2009) The Lung Time: Annotated Lung Nodule Dataset and Nodule Detection Framework. *Medical Imaging* 2009: Computer-Aided Diagnosis, International Society for Optics and Photonics, Vol. 7260, 72601U. <u>https://doi.org/10.1117/12.811645</u>
- [54] Mak, R.H., Endres, M.G., Paik, J.H., et al. (2019) Use of Crowd Innovation to Develop an Artificial Intelligence-Based solution for Radiation Therapy Targeting. JAMA Oncology, 5, 654-661. <u>https://doi.org/10.1001/jamaoncol.2019.0159</u>
- [55] Creswell, A., White, T., Dumoulin, V., et al. (2018) Generative Adversarial Networks: An Overview. IEEE Signal Processing Magazine, 35, 53-65. <u>https://doi.org/10.1109/MSP.2017.2765202</u>
- [56] Du, J., Li, W., Lu, K., *et al.* (2016) An Overview of Multi-Modal Medical Image Fusion. *Neurocomputing*, **215**, 3-20. <u>https://doi.org/10.1016/j.neucom.2015.07.160</u>